

## ОТЗЫВ

На автореферат диссертации ДЕНИСОВА Алексея Васильевича «Пространственная структура населения млекопитающих – носителей возбудителя чумы в Горно-Алтайском высокогорном природном очаге», представленный на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.08 – экология.

В России издавна известны многие очаги, где хранителями и переносчиками острой эпидемической болезни – чумы являются дикие животные, многие виды которых являются объектами охоты человека и потенциальными источниками заболевания людей. В настоящее время в Горно-Алтайском высокогорном природном очаге чумы зарегистрированы случаи заболевания людей чумой, занимающихся добычей сурков, чего не отмечалось здесь у охотников в XX столетии. В этой связи актуальность рассматриваемой работы на примере пищух, сусликов и сурков не вызывает сомнения.

В работе изложены результаты двадцатилетних исследований по картированию изменений территории пространственного и высотного обитания вовлекаемых в эпизоотический процесс по чуме двух видов пищух, длиннохвостого суслика, плоскочерепной полевки и серого сурка.

Наглядно соискатель показал видовые станции и их использование. В результате аридизации климата горных степей, отсутствия естественных препятствий для расселения монгольских пищух и позитивного антропогенного воздействия ареал этого вида увеличился почти в 1,5 раза. Плотность населения серых сурков стабильно высокая и варьирует от 100 до 700 особей на 1 км<sup>2</sup>. Наибольшая плотность его населения в высокогорье. Распределение даурской пищух чаще всего мозаичное или в ленточных поселениях. Обычный, широко распространенный и довольно многочисленный длиннохвостый суслик. Наименьшее и мозаичное распространение имеет плоскочерепная полевка, охотно поселяющаяся в постройках человека. Все эти материалы свидетельствуют о довольно тесном сожительстве перечисленных видов зверей.

Оригинальны и практически значимы материалы главы V о роли носителей и эпизоотических проявлений в пространственной структуре населения носителей. Наибольшая доля штаммов чумного микроба выявлена у монгольской пищухи. Штамм чумного микроба зафиксирован и у других исследованных зверей, но случаи заражения человека чумой отмечены только при разделке добытых серых сурков, что обусловлено интродукцией чумного микроба из Северо-Западной Монголии в начале XXI века, что обусловлено аридизацией климата горных степей и создавшихся благоприятных условий для возбудителя чумы. Но остается вопрос: кто и как участвовал в миграциях микроба – блохи, наземные

